

## **Bibliografía:**

- [1] Yeoman, C. J., & White, B. A. (2014). Gastrointestinal tract microbiota and probiotics in production animals.
- [2] Malmuthuge, N., Griebel, P. J., & Guan, L. L. (2015). The gut microbiome and its potential role in the development and function of newborn calf gastrointestinal tract. *Frontiers in veterinary science*, 2, 36.
- [3] Malmuthuge, N., Liang, G., & Griebel, P. J. (2019). Taxonomic and functional compositions of the small intestinal microbiome in neonatal calves provide a framework for understanding early life gut health. *Applied and environmental microbiology*, 85(6).
- [4] Oikonomou, G., Teixeira, A. G. V., Foditsch, C., Bicalho, M. L., Machado, V. S., & Bicalho, R. C. (2013). Fecal microbial diversity in pre-weaned dairy calves as described by pyrosequencing of metagenomic 16S rDNA. Associations of *Faecalibacterium* species with health and growth. *PloS one*, 8(4), e63157.
- [5] Mir, R. A., Kleinhenz, M. D., Coetzee, J. F., Allen, H. K., & Kudva, I. T. (2019). Fecal microbiota changes associated with dehorning and castration stress primarily affects light-weight dairy calves. *Plos one*, 14(1), e0210203.
- [6] O'Hara, E., Neves, A. L., Song, Y., & Guan, L. L. (2020). The Role of the Gut Microbiome in Cattle Production and Health: Driver or Passenger?. *Annual Review of Animal Biosciences*, 8, 199-220.
- [7] Brade, W., and G. Flachowsky. 2007. Rinderzucht und Rindfleischerzeugung: Empfehlungen für die Praxis. FAL. Sonderheft 313. Landbauforschung Völkenrode, Bundesforschungsanstalt für Landwirtschaft FAL, Braunschweig.
- [8] Hoping, B., B. Keimer, A. Schlagheck und J. Hummel. 2020. 11 Einfluss einer hydrolysierten Hefe aus *Kluyveromyces fragilis* auf die Aufzuchtleistung und den Gesundheitsstatus von Kälbern in der Fresseraufzucht. En: 21. Forum angewandte Forschung in der Rinder- und Schweinefütterung, Soest. Pág. 37–40.